

Entre nous ...

Journée scientifique

Réseau de Recherche Impulsion
Public Health Data Science

Mercredi 3 juillet 2024

Université de Bordeaux

Campus Victoire, amphithéâtre Pitres



Journée scientifique du RRI PHDS

Mercredi 3 juillet 2024

08h30 Café de bienvenue

09h00 · [Lancement de la journée](#)

Cécile PROUST-LIMA, porteuse du RRI PHDS, Biostat team, BPH

09h10 · [AI techniques for uncovering longitudinal patterns in small data settings](#)

Harald BINDER, Institute of Medical Biometry and Statistics, University of Freiburg

10h10 · [A two-stage joint modeling approach for multiple longitudinal markers and time-to-event data](#)

Taban BAGHFALAKI, Biostat team, BPH

10h30 · [Cross-modal Swin-Transformer for computer-assisted diagnosis of AMD from optical coherence tomography and color fundus images](#)

Sébastien RICHARD, LaBRI

10h50 Pause café

11h20 · [Analysis of multivariate longitudinal and survival data: from joint models to random forests](#)

Cécile PROUST-LIMA, Biostat team, BPH

12h20 · [The DeepJoint Algorithm for longitudinal breast density changes and screen-detected breast cancer risk](#)

Manel RAKEZ, Biostat team, BPH

12h40 Cocktail déjeuner

14h00 · [Advances and pitfalls of AI for prognostic medicine](#)

Agathe GUILLOUX, DR INRIA, HeKA team, INRIA – INSERM - Université Paris Cité

15h00 · [High-dimension mechanistic model building using LASSO approaches: application to Ebola vaccination](#)

Auriane GABAUT, Biostat/SISTM teams, BPH

15h20 · [Fréchet random forests: method and challenges](#)

Justine REMIAT, Biostat/SISTM team, BPH

15h40 Pause café

16h10 · [Characterizing circulating microbiota from public transcriptomics data: comparing state of the art methods](#)

Antonin COLAJANNI, SISTM team, BPH

16h30 · [Fission de données pour l'inférence post-classification : de la théorie à la pratique](#)

Benjamin HIVERT, SISTM team, BPH

16h50 · [Survival analysis in high dimensional setting with time-varying covariates](#)

Ariane BERCU, Biostat team, BPH

17h10 · [L'impact négatif des matrices de référence incomplètes sur la performance de la déconvolution des fréquences cellulaires à partir de l'expression génique](#)

Kalidou BA, SISTM team, BPH

17h30 Wine & Cheese